



Studentische Hilfskraft

Für die Entwicklung von Software im Bereich der Proteomik suchen wir eine studentische Hilfskraft. Alle Arbeiten sind Teil der Proteomics-Frameworks OpenMS (www.OpenMS.de).

Stundenzahl nach Vereinbarung.

Vorraussetzung ist:

- Programmiererfahrung in C++
- Gute Kenntnisse der STL
- Erfahrung mit Unix-Umgebungen

Hilfreich wäre auch

- Erfahrung mit Softwareentwicklung unter Unix (svn, make, ...)
- Erfahrung in QT-Programmierung

Kontakt:

Marc Sturm
Div. for Simulation of Biological Systems
WSI/ZBIT, Sand 14
[sturm \[at\] informatik.uni-tuebingen.de](mailto:sturm[at]informatik.uni-tuebingen.de)